

Marta Sánchez-Sánchez^a, Alberto Moraga-Fernández^a, Joaquín Vicente^a, Mariano Cuadrado^b, Xosé Pardavila^c, Jorge Sereno-Cadierno^a, Isabel G. Fernández de Mera^a

^a Instituto de Investigación en Recursos Cinegéticos, IREC (CSIC-UCLM-JCCM), Ciudad Real, España;

^b ZooBotánico de Jerez - Ayuntamiento de Jerez, Madreselva s/n, Jerez de la Frontera, Cádiz, España;

^c Sorex, Ecoloxía E Medio Ambiente S.L., Santiago de Compostela, España.

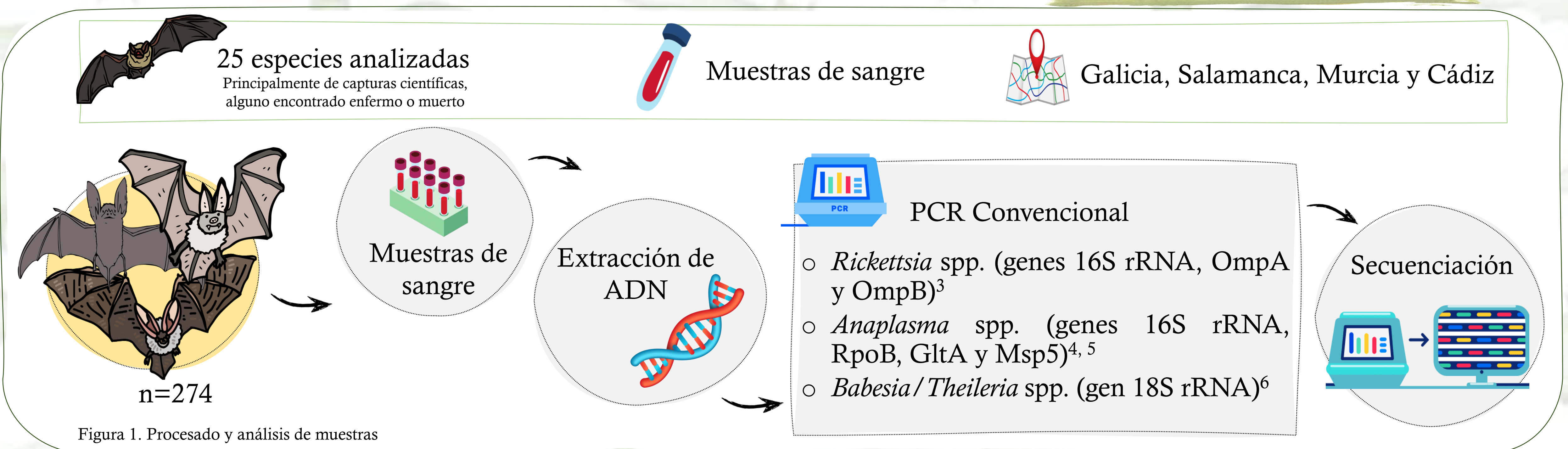
INTRODUCCIÓN

Los quirópteros debido a la diversidad de hábitats que pueden ocupar, combinada con la capacidad de vuelo, alta longevidad, la dispersión a largas distancias, formación de colonias y adaptación a ambientes antrópicos pueden facilitar el mantenimiento y la dispersión de patógenos zoonóticos potencialmente de relevancia para la salud humana. Además, son capaces de albergar garrapatas que pueden ser portadores de patógenos zoonóticos y probablemente actúen como vectores en las poblaciones de quirópteros^{1,2}.

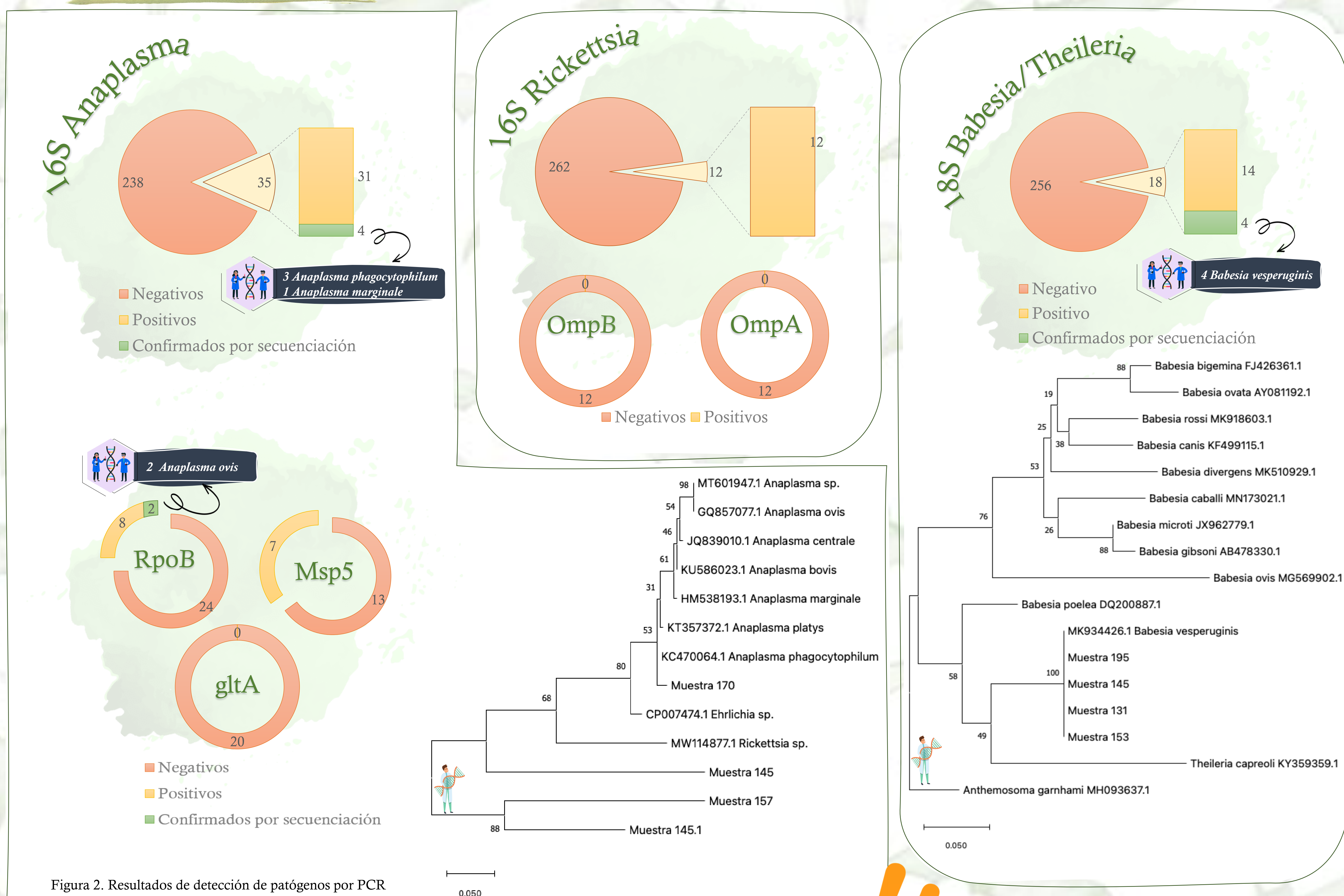
OBJETIVO

Detección, identificación y caracterización molecular de patógenos pertenecientes a los órdenes bacterianos Rickettsiales y Piroplasmida (*Rickettsia* spp., *Anaplasma* spp., *Babesia* spp. y *Theileria* spp.) en muestras de sangre de murciélagos procedentes de cuatro regiones de España.

MATERIAL Y MÉTODOS



RESULTADOS



CONCLUSIONES

- Se confirma que las especies *Anaplasma phagocytophilum* y *Babesia vesperuginis* están presentes en murciélagos de la península ibérica.
- Tras los resultados obtenidos, se pone de manifiesto la necesidad de profundizar en el estudio de los patógenos transmitidos por garrapatas en esta especie hospedadora, implementando nuevas técnicas de análisis molecular.

REFERENCIAS

- Gorbuñova et al (2020). *Cell Metab*, 32(1), 31-43.
- Sándor et al (2021). *Front Vet Sci*, 8.
- Fernández de Mera et al (2009). *Emerg Infect Dis*, 15:1869-1870
- Chaligiannis et al (2018). *Exp Appl Acarol*, 74(4), 443-453.
- Dahmani et al (2017). *Ticks Tick-Borne Dis*, 8(1), 18-24.
- Adaszek et al (2008). *Vet Parasitol*, 152(3-4), 235-241.

AGRADECIMIENTOS

Este estudio fue parcialmente financiado por el proyecto ENETWILD EFSA (OC/EFSA/ALPHA/2016/01) y por el Gobierno de Castilla-La Mancha (JCCM, España) a través del proyecto BPLY/19/180501/000321 cofinanciado por el Fondo Europeo de Desarrollo Regional (FEDER). MSS fue financiado por el Gobierno de España con la cofinanciación del Fondo Social Europeo (FSE). AMF fue financiado por el Plan Propio de Investigación de la Universidad de Castilla-La Mancha (UCLM) España, cofinanciado por el Fondo Social Europeo (FSE). Las muestras procedentes de Cádiz corresponden a ingresos en el CRAS del ZooBotánico, centro asociado a la red de CREAS de la Junta de Andalucía.